

ポスター発表

※イタリック・上付文字・下付文字等は反映されておりません。

討論タイム 1P 奇数番号：3月4日（金）14:45－15:30, 1P 偶数番号：18:55 - 19:40
2P 奇数番号：3月5日（土）11:40－12:25, 2P 偶数番号：13:35 - 14:20

《ゲノムの構造と進化》

1P-01 (1St-01)

海洋性細菌 *Vibrio alginolyticus* VIO5 株のゲノム構造解析

稲葉 啓太*1 上坂 一馬*2 西岡 典子*3 本間 道夫*3 ○井原 邦夫*1

*1 名古屋大学 遺伝子実験施設 *2 名古屋大学大学院 生命農学研究科 *3 名古屋大学大学院 理学研究科

1P-02 (1O1-1)

NIES シアノバクテリアの完全ゲノム解析

○広瀬 侑*1 藤澤 貴智*2 大坪 嘉行*3 片山 光徳*4 三澤 直美*1 若月 幸子*1 志村 遥平*5
中村 保一*2 河地 正伸*5 吉川 博文*6 浴 俊彦*1 兼崎 友*6

*1 豊橋技科大・環境生命/EIIRIS *2 国立遺伝研 *3 東北大・生命科学 *4 日本大・生産工学 *5 国立環境研 *6 東京農大・バイオサイエンス

1P-03 (1O1-3)

溶菌酵素の生産者 *Lysobacter enzymogenes* のゲノム解析

○高見 英人*1 豊田 敦*2 内山 郁夫*3 伊藤 武彦*4 高木 義弘*1 荒井 渉*1 西 真朗*1
河合 幹彦*1 池田 治生*5

*1 海洋機構 *2 遺伝研・比較ゲノム *3 基生研・比較ゲノム *4 東工大・生命理工 *5 北里大院・感染学
府

1P-04

フェナントレン分解細菌 *Burkholderia* sp.HB-1 株のゲノムと芳香属分解遺伝子の解析

○守屋 梓*1 小川 なつみ*1 加藤 広海*1 大坪 嘉行*1 永田 裕二*1 津田 雅孝*1

*1 東北大学院生命科学

1P-05

プレボテラインターメディアにおける菌株間ゲノム比較

○内藤 真理子*1 小椋 義俊*2 林 哲也*2 中山 浩次*1

*1 長崎大・院・医歯薬・口腔病原微生物 *2 九州大・院・医・細菌学

1P-06 (1St-02)

シロアリ腸内原生生物細胞内共生 *Endomicrobium* 属細菌比較ゲノム解析

○伊澤 和輝*1 桑原 宏和*1 木原 久美子*1 Nathan Lo*2 雪 真弘*3 大熊 盛也*3*4 本郷 裕一*1*4

*1 東京工業大学 大学院生命理工学研究科 *2 The University of Sydney School of Biological Science *3 理化学研究所 CSRS BMEP バイオマス研究基盤チーム *4 理化学研究所 BRC JCM

1P-07

Mycobacterium avium のゲノム多様性

○岩本 朋忠*1 矢野 大和*2 丸山 史人*3

*1 神戸市環境研・感染症部 *2 東大・新領域 *3 京大・医・微生物感染

1P-08 (101-2)

ミトコンドリアおよび葉緑体ゲノム進化のダイナミクス -遺伝子移動とゲノム構造に着目して-

○谷藤 吾朗*1 John Archibald*2 橋本 哲男*1

*1 筑波大学 生命環境系 *2 Dalhousie University (Canada)

1P-09 (1St-03)

共生における非適応形質の進化:細胞内共生細菌ゲノムにおける不正確な遺伝子発現の適応的意義

○金城 幸宏*1*2 本郷 裕一*2 徳田 岳*3 大熊 盛也*1

*1 理研 BRC・JCM *2 東工大 院・生命理工 *3 琉球大・熱生研

1P-10

MIITE の爆発的増幅と *Treponema phagedenis* のゲノム進化

○後藤 恭宏*1 小椋 義俊*1 大岡 唯祐*2 矢野 貴久*3 三澤 尚明*3 林 哲也*1

*1 九州大・院・医・細菌 *2 鹿児島大・院・医歯?微生物 *3 宮崎大・農・獣医・公衆衛生

1P-11 (1St-04)

Haloarcula 属 3 株の完全なゲノム配列に基づくゲノム構造の比較

○谷村 要*1 越後 輝敦*2 峯岸 宏明*2 井原 邦夫*1

*1 名古屋大学 遺伝子実験施設 *2 東洋大学 バイオ・ナノエレクトロニクス研究センター

1P-12

根粒菌 *Bradyrhizobium diazoefficiens* の種内比較ゲノム解析

○三屋 公佑*1 金原 一真*1 菅原 雅之*1 南澤 究*1 金子 貴一*2 板倉 学*2

*1 東北大院生命科学 *2 京産大生命科学

1P-13

ビフェニルおよび PCB 分解能力を高頻度に転移・欠失する *Pseudomonas putida* KF715 (NBRC 110667) 株のゲノム再編成現象

○末永 光*1 藤原 秀彦*2 木村 信忠*1 廣瀬 遵*3 渡邊 崇人*4 二神 泰基*5 後藤 正利*6
古川 謙介*2

*1 産総研・生物プロセス *2 別府大・食物栄養 *3 宮崎大・工 *4 京大・生存研 *5 鹿児島大・農 *6 九大・農

1P-14 (101-5)

エピゲノムとゲノムは独立に進化できるか?

○小島 健司*1*2*3 古田 芳一*1*2 矢原 耕史*1*2*4 福世 真樹*1*2 志波 優*5 西海 信*6
吉田 優*6 東 健*6 吉川 博文*5*7 小林 一三*1*2

*1 東大・院新領域 *2 東大・医科研 *3 GIRI *4 久留米大・バイオ統計セ *5 東農大・ゲノム *6 神戸大・医 *7 東農大・応生

1P-15

鉄硫黄クラスターの生合成に特化した Hsp70 型分子シャペロンシステムの遺伝学的解析

○金澤 美秋*1 田中 尚志*1 松嶋 夢叶*1 高橋 康弘*1

*1 埼玉大院・理工

1P-16

栄養依存的な変異率のゲノムワイドな実証

○津留 三良*1 石澤 裕佳*1 芝井 厚*1 高橋 佑輔*1 元岡 大祐*2 中村 昇太*2

*1 阪大・情報 *2 阪大・微研

1P-17 (1St-05)

ドメイン単位のオーソログ分類に基づく融合遺伝子の解析

○千葉 啓和*1 内山 郁夫*1

*1 基生研

1P-18

プラスミド pSC101 の複製と安定分配に関与する宿主因子の解析

大山 加奈絵*1 小島 由夏*1 ○久留主 泰朗*1

*1 茨城大農

1P-19 (1St-06)

大腸菌において DNA の量が増殖速度に与える影響

○明野 優也*1 津留 三良*1

*1 阪大・情報

1P-20

Environmental adaptation of polar bacteria; ‘To be, or not to be frozen.’

○Tomoya Baba*1 Takashi Abe*2 Atsushi Toyoda*3 Ryosuke Nakai*3 Takeshi Naganuma*4
Asao Fujiyama*3*5 Satoshi Imura*6 Hiroshi Kanda*6 Hideaki Motoyama*6 Hironori Niki*3

*1 TRIC/ROIS *2 Niigata Univ. *3 NIG *4 Hiroshima Univ. *5 NII *6 NIPR

1P-20

Environmental adaptation of polar bacteria; ‘To be, or not to be frozen.’

○Tomoya Baba*1 Takashi Abe*2 Atsushi Toyoda*3 Ryosuke Nakai*3 Takeshi Naganuma*4
Asao Fujiyama*3*5 Satoshi Imura*6 Hiroshi Kanda*6 Hideaki Motoyama*6 Hironori Niki*3

*1 TRIC/ROIS *2 Niigata Univ. *3 NIG *4 Hiroshima Univ. *5 NII *6 NIPR

1P-21 (1O1-4)

BLSOM 解析による微生物の南極環境への適応戦略の解明

○阿部 貴志*1 中道 真喜*1 吉田 淳一郎*1 仁木 宏典*2 馬場 知哉*3

*1 新潟大工 *2 遺伝研 *3 新領域融合セ

1P-22 (1O1-6)

An evolutionary trade-off between growth and sustainability accompanied by ribosomal damages

○應 蓓文*1 本田 朋也*2 津留 三良*3 瀬尾 茂人*3 松田 秀雄*3 数田 恭章*4 四方 哲也*3*4

*1 筑波大・生命環境 *2 UCSD *3 阪大院・情報 *4 JST・ERATO

1P-23

大腸菌広域欠失株の増殖に対する数理的評価

○黒川 真臣*1 瀬尾 茂人*2 松田 秀雄*2 應 蓓文*1

*1 筑波大・生命環境 *2 阪大院・情報

1P-24 (1St-07)

H-NS による転写抑制を介した大腸菌ゲノムの多様性獲得機構

○東 光一*1 戸邊 亨*2 石川 周*3 鈴木 穰*4 小笠原 直毅*5 黒川 顕*1*6 大島 拓*3

*1 東工大院・生命理工 *2 阪大院・医 *3 奈良先端大・バイオ *4 東大院・新領域創成科学 *5 奈良先端大 *6 東工大・地球生命研究所

《遺伝子の発現制御》

1P-25 (1St-08)

枯草菌の転写開始点に依存した新規熱ショック応答機構のゲノムワイドな検証

高松 美沙樹*1 ○兼崎 友*2 佐藤 絢*1 渡辺 智*1 千葉櫻 拓*1 吉川 博文*1

*1 東京農大・応生化・バイオ *2 東京農大・ゲノムセンター

1P-26

枯草菌 RNAP のアセチル化は SigX との結合を促進し、この現象に緊縮応答が関与する

○小倉 光雄*1 米沢 拓大*2 吉田 稔*3 古園 さおり*2*3

*1 東海大・海洋研 *2 東大・生物工学セ *3 理研 CSRS

1P-27 (1St-09)

枯草菌糖脂質欠損における二成分制御系 WalKR への影響

○松岡 聡*1 松本 幸次*1 朝井 計*1 原 弘志*1

*1 埼玉大・院・理工研

1P-28 (1St-10)

枯草菌における糖輸送制御系 PTS の脂質代謝に及ぼす新規制御系の解析

○多喜乃 雄太*1 高田 啓*2 兼崎 友*3 渡辺 智*1 千葉櫻 拓*1 吉川 博文*1*3

*1 東京農大・院・バイオ専攻 *2 立教大・理・生命理 *3 東京農大・ゲノム解析ゼ

1P-29 (1St-11)

大腸菌 tolC 欠損株の酸感受性化機構の解明

○神田 健*1 安彦 弦太*2 岩井 伯隆*2 和地 正明*2

*1 東工大・生命理工 *2 東工大院・生命理工

1P-30 (1O2-5)

Post-transcriptional regulation of acetyl phosphate pathway by 3'UTR of TCA cycle mRNA

○Masatoshi Miyakoshi*1

*1 Akita Prefectural University

1P-31 (1O2-4)

H-NS ファミリータンパク質 TurB の二量体/多量体形成機構

○水口 千穂*1 川妻 孝平*1 松澤 淳*1 ヴァシレヴァ デリアナ*1 藤本 瑞*2 寺田 透*3*4
岡田 憲典*1 野尻 秀昭*1*4

*1 東大・生物工学セ *2 農生資研 *3 東大院農生科・応生工 *4 東大院農生科・アグリバイオ

1P-32

Transcriptional pausing: Limitation of consensus DNA motif to understand the mechanism of regulation in vivo.

今清水正彦*1,2 Ariel Afek*3 高橋弘喜*2 大島拓*4 David Lukatsky*3

*1NIH/NCI *2 千葉大・真菌研 *3Ben-Gurion Univ of the Negev *4 奈良先端大・バイオ

1P-33 (1O2-6)

転写の細胞周期変動を保証する DnaA 活性型特異的な転写抑制/促進機構

○松本 健佑*1 末次 正幸*1

*1 立教大・理・生命理

1P-34 (1St-12)

BiFC を用いたペリプラズム領域における大腸菌 Rcs 系タンパク質間相互作用解析

○佐藤 貴皓*1 高野 晃*1 松岡 聡*1 松本 幸次*1 原 弘志*1

*1 埼玉大院 理工研

1P-35

大腸菌の栄養環境と RNA-seq 解析

○牧 泰史*1 大塚 悠太*2 武藤 愛*2 上田 雅美*3 和田 明*3 古池 晶*1 吉田 秀司*1
中東 憲治*4 森 浩禎*2

*1 大阪医大・物理 *2 奈良先端・生体情報 *3 吉田生物研究所 *4 慶應・先端生命

1P-36 (1St-13)

バイオフィーム形成時、非形成時の時系列遺伝子発現変動の解析

○中村 祐哉*1 山元 奈緒*1 木野 裕太*1 中島 信孝*1

*1 東工大院・生命理工・生命情報

1P-37 (1St-14)

バイオフィーム統括制御因子 CsgD によって制御される新規アミロイド線維形成抑制因子 YccT の機能解明

○佐野 晃太郎*1 加藤 佑輝*1 小笠原 寛*2

*1 信大院・理工・応生 *2 信大・ヒト環境・遺伝子

1P-38

大腸菌バイオフィーム形成統括因子 CsgD の新規発現抑制機構の解明

石塚 俊行*1 太田 あず佐*1 石浜 明*2 ○小笠原 寛*3

*1 信州大・繊維・応生 *2 法政大・マイクロナノテク研 *3 信州大・ヒト環境・遺伝子

1P-39

大腸菌 toxin-antitoxin 遺伝子群のバイオフィーム形成における役割の解析

○亀井 翔太*1 中島 信孝*1 黒川 顕*1*2

*1 東工大院・生命理工 *2 東工大・地球生命

1P-40 (1St-15)

緑色硫黄細菌 *Chlorobaculum tepidum* における GFP 発現の塩基配列依存性

○波佐間 雄世*1 則光 明日美*1 浅井 智広*1 寺内 一姫*1

*1 立命館大・生命

1P-41

分裂酵母内での外来性 GPCR の発現

○岸本 祐樹*1 長田 俊哉*1

*1 東工大・生命理工

1P-42 (102-3)

Class III LitR を有する *Burkholderia* 属細菌の光応答制御メカニズムの解析

○角 悟*1 上田 賢志*1 高野 英晃*1

*1 日本大学生物資源科学部生命科学研究センター

1P-43 (1St-16)

糖ヌクレオチド合成関連遺伝子が与えるストレス耐性

○伊藤 雄太郎*1 上妻 美菜*2 松橋 歩*2 相原 岳明*2 船水 健斗*2 内山 純爾*2 島田 浩章*1
太田 尚孝*2*3

*1 東理大・生物工 *2 東理大・科教研 *3 東理大・理

1P-44 (1St-17)

Enterococcus mundtii QU 25 株のポストゲノム研究：RNA-sequencing 解析を用いた混合糖条件下での転写解析

○藤原 治子*1 鍋田 啓介*2 兼崎 友*3 田代 幸寛*1 善藤 威史*1 門多 真理子*3*4 吉川 博文*2*3
園元 謙二*1*5

*1 九大院・農 *2 東農大・バイオ *3 東農大・ゲノムセンター *4 武蔵野大・環境 *5 九大・バイオアー
ク

1P-45

過飽和シリカを誘導剤とするタンパク質発現システムの構築

○東 大輔*1 田上 諒*1 藤野 泰寛*2 土居 克実*1

*1 九大院・農 *2 九大基幹

1P-46 (1St-18)

Small RNA ChiX による 2 種の標的 mRNA の発現制御機構

○南 晴香*1 鈴木 一史*1*2 佐々木 直美*1 山岸 拓矢*2 杉本 華幸*1*2 渡邊 剛志*1*2

*1 新潟大院・自然科学 *2 新潟大・農・応生化

1P-47

油脂生産酵母 *Rhodosporium toruloides* の突然変異導入による変異遺伝子の同定

○宮田 淳史*1 通野 和人*1 高見沢 健留*1 志田 洋介*1 山崎 晴丈*2 正木 和夫*3 森 一樹*4
久原 哲*4 高久 洋暁*2 小笠原 渉*1

*1 長岡技科大・生物 *2 新潟薬科大・応生科 *3 酒類総研 *4 九大院農・生資源

1P-48

油脂酵母 *Lipomyces starkeyi* の油脂高生産変異株の解析

○高見沢 健留*1 宮田 淳史*1 通野 和人*1 志田 洋介*1 山崎 晴丈*2 森 一樹*3 久原 哲*3
高久 洋暁*2 小笠原 渉*1

*1 長岡技科大・生物 *2 新潟薬大・応生科 *3 九大院農・生資源

1P-49

***Burkholderia multivorans* における鉄硫黄クラスター合成遺伝子群の転写制御に対する Fur 及び IscR の作用機作**

○野々山 翔太*1 佐藤 拓哉*1 岸田 康平*1 大坪 嘉行*1 永田 裕二*1 津田 雅孝*1

*1 東北大院・生命科

1P-50 (1St-19)

鉄濃度依存的に発現変動する機能未知遺伝子 *hemP* の解析

○佐藤 拓哉*1 湯原 悟志*1 野々山 翔太*1 大坪 嘉行*1 永田 裕二*1 津田 雅孝*1

*1 東北大院・生命科

1P-51 (1St-20)

プラスミド pCAR1 上の転写開始点の網羅的決定と宿主間比較

○館 はる香*1 水口 千穂*1 高橋 裕里香*2 大坪 嘉行*3 津田 雅孝*3 岡田 憲典*1 野尻 秀昭*1

*1 東大・生物工学セ *2 富山県大生工科・生工セ *3 東北大院・生命科学

1P-52 (1St-21)

プラスミド保持に伴い宿主の生育負荷を引き起こす染色体上転写単位の発見と解析

○杉山 大介*1 水口 千穂*1 高橋 裕里香*2 岡田 憲典*1 野尻 秀昭*1

*1 東大生セ *2 富山県大生工科・生工セ

1P-53

Synechocystis sp. PCC6803 の酸性ストレスに応答する ncRNA の同定

○内山 純爾*1 太田 尚孝*1*2

*1 東理大・理・教養 *2 東理大・科学教育

1P-54 (1St-22)

Synechocystis sp. PCC6803 における MsbA ホモログは酸性ストレス耐性に関与する

○松橋 歩*1 伊藤 雄太郎*2 上妻 美菜*1 船水 健斗*1 内山 純爾*3 太田 尚孝*3

*1 東理大・科学教育 *2 東理大・生物工 *3 東理大・理・教養

1P-55 (1St-23)

シアノバクテリア生物時計再構成系における周期長決定機構の解析

○中嶋 海都*1 三林 芳太郎*1 大山 克明*1 浅井 智広*1 寺内 一姫*1

*1 立命館大・生命

1P-56 (1St-24)

シアノバクテリアに普遍的なレスポンスレギュレーター Rre1 の機能解析

○小林 一幾*1 田中 寛*2

*1 東工大・総合理工 *2 東工大・資源研

1P-57 (1St-25)

Synechocystis sp. PCC6803 の酸性順化株のもつ変異型 FoF1 ATPase は、酸耐性の獲得に関与する

○上妻 美菜*1 田崎 理澄*1 石川 晴菜*2 船水 健斗*1 松橋 歩*1 伊藤 雄太郎*3 内山 純爾*2
兼崎 友*4 吉川 博文*5 太田 尚孝*1*2

*1 東理大・科学教育 *2 東理大・理 *3 東理大・基礎工 *4 東京農大・ゲノム解析セ *5 東京農大・応生
科・バイオ

1P-58 (1St-26)

Synechocystis sp. PCC6803 の ATPase 阻害による PBS への影響

○船水 健斗*1 内山 純爾*2 松橋 歩*1 上妻 美菜*1 伊藤 雄太郎*3 兼崎 友*4 吉川 博文*5
太田 尚孝*1*2

*1 東理大・科教研 *2 東理大・理 *3 東理大・生物工 *4 東農大・生物資源 *5 東農大・応生・バイオ

1P-59 (1St-27)

シアノバクテリア *Synechococcus elongatus* PCC 7942 における生物時計と強光応答の関連性

○鶴巻 達大*1 田中 寛*1

*1 東工大・資源研

1P-60 (1O2-2)

非窒素固定性シアノバクテリアにおける CnfR 制御を利用した窒素固定遺伝子群の発現

辻本 良真*1 小谷 弘哉*1 ○藤田 祐一*1

*1 名大・院生命農

1P-61 (1O2-1)

窒素飢餓環境に対するシアノバクテリアの生存戦略の比較解析

○得平 茂樹*1

*1 首都大・生命

1P-62 (1St-28)

マウス消化管内で特異的に発現するビフィズス菌遺伝子の同定法の確立

○河口 礼佳*1 平等 清夏*1 石神 夏実*1 阪中 幹祥*2 横田 篤*1 吹谷 智*1

*1 北大院・農 *2 石川県大

1P-63 (1St-29)

Epigenetic network of gene expression involving DNA methyltransferases

○Hirokazu Yano*1*2 Md Zobaidul Alam*1 Emiko Rimbara*3 Yoshikazu Furuta*1*2

Yutaka Suzuki*1 Sumio Sugano*1*2 Keigo Shibayama*3 Ichizo Kobayashi*1*2

*1 Grad. Sch. Front. Sci., Univ. Tokyo. *2 IMSUT. *3 NIID

1P-64 (1O2-7)

大型二本鎖 DNA ウイルスの感染過程の解析

○植木 尚子*1

*1 岡山大・資植研

1P-65 (1St-30)

遺伝子破壊法を用いた *Bifidobacterium longum* NCC2705 株における二成分制御系遺伝子群のトランスクリプトーム解析

○和泉 絢子*1 榎谷 尚慶*1 滝口 祐加*1 山中 祐二*1 坂口 広大*1 野村 泉*1 鈴木 徹*1

*1 岐阜大・応生

《ゲノム情報の活用、ゲノム育種》

1P-66

糸状菌 *Trichoderma reesei* における比較ゲノム解析を用いた新規セルラーゼ生産制御因子の同定

○平沢 大樹*1 会田 宏樹*1 志田 洋介*1 森 一樹*2 田代 康介*2 久原 哲*2 小笠原 渉*1

*1 長岡技科大・生物 *2 九大院農・生資源

1P-67 (1St-31)

タンパク質高生産菌株のゲノム・トランスクリプトーム解析

○野村 祐介*1 廣瀬 修一*2 中村 聡子*3 柏木 紀賢*3 荻野 千秋*3*4 近藤 昭彦*3*4 根本 航*1*5

*1 東京電機大学大学院 理工学研究科 生命理工学専攻 *2 長瀬産業 ナガセ R&D センター *3 神戸大学大学院 工学研究科 応用化学専攻 *4 神戸大学 自然科学系先端融合研究環 *5 東京電機大学 理工学部 理工学科 生命理工学系

1P-68 (1O1-8)

ゲノム比較から紐解くバクテリオクロフィル生合成系の新機軸

○塚谷 祐介*1*2 原田 二郎*3 野亦 次郎*4 山本 治樹*4 藤田 祐一*4 溝口 正*5 民秋 均*5

*1 東工大・地球生命研究所 *2 JST・さきがけ *3 久留米大・医化学 *4 名大院・農 *5 立命館大院・生命科学

1P-69

酢酸菌 *Acetobacter pasteurianus* 12 株のゲノム情報と耐熱性との相関に関する解析

○松谷 峰之介*1 山下 隆司*1 古川 藍子*1 辰野 真木*1 貝沼 (岡本) 章子*2 石川 森夫*2 志波 優*3 吉川 博文*2*3 平川 英樹*4 薬師 寿治*1 松下一信*1

*1 山口大・農 *2 東農大・応用生科 *3 東農大・ゲノムセンター *4 かずさ DNA 研・植物ゲノム

1P-70

トランスポゾン変異導入系を用いたビフィズス菌の腸内生存に寄与する遺伝子の探索系の構築

中川路 伸吾*1 阪中 幹祥*2 横田 篤*1 ○吹谷 智*1

*1 北大院・農 *2 石川県大

1P-71 (1St-32)

ランダム変異による超好熱菌温度感受性株の単離と解析

二石 涼平*1 金子 瑛*1 折田 和泉*1 中村 聡*1 今中 忠行*2 ○福居 俊昭*1

*1 東工大院・生命理工 *2 立命館・生命科学

1P-72 (101-7)

超好熱アーキア *Thermococcus kodakarensis* における 2-オキシ酸：フェレドキシン酸化還元酵素パラログの機能解析

○野原 健太*1 中村 聡*1 今中 忠行*2 福居 俊昭*1

*1 東工大院・生命理工・生物プロセス *2 立命館大院・生命科学・生物工学

1P-73

ミリスチン酸を多量に含むシアノバクテリアに関する研究

○齋藤 勝和*1*2 遠藤 嘉一郎*1 小林 康一*1*2 渡辺 麻衣*1 池内 昌彦*1 村上 明男*3 村田 紀夫*4 和田 元*1*2

*1 東大・院・総合文化 *2 JST・CREST *3 神戸大・内海域センター *4 基生研

1P-74 (1St-33)

コリネ型細菌のシステイン生産株の育種

○近藤 麻梨子*1 平沢 敬*1

*1 東工大院生命理工

1P-75

アンチセンス核酸による配列特異的な殺菌

○木野 裕太*1 中島 信孝*2

*1 東京工業大学生命理工学部生命工学科生命情報コース *2 東京工業大学生命理工研究科生命情専攻

《合成生物学》

1P-76 (1St-34)

多細胞性ラン藻 *Anabaena* sp. PCC 7120 の時間・空間レベルでの遺伝子発現制御系の構築

○肥後 明佳*1*2 井須 敦子*1*2 深谷 佑紀*1*2 久堀 徹*1*2

*1 東工大・資源研 *2 JST・CREST

1P-77

ゲノム工学を用いた細胞内蓄積型物質生産に有益な宿主の開発

○門屋 亨介*1*2 松本 謙一郎*1 大井 俊彦*1 田口 精一*1*2

*1 北大・院工 *2 JST-CREST

《病原微生物》

1P-78

Nation-wide high-resolution phylogenomic analysis of Rickettsia japonica in Japan

○MST. Arzuba Akter*1 Tadasuke Ooka*2 Seigo Yamamoto*1 Keisuke Katsura*1 Atsushi Toyoda*3 Dai Yoshimura*4 Yoshitoshi Ogura*5 Takehiko Itoh*4 Tetsuya Hayashi*5

*1 Div. Microbiology, Fac. Med., Univ. Miyazaki *2 Dept. Microbiology, Grad. Sch. Med. Dent. Sci., Kagoshima Univ. *3 Advanced Genomics Center and Center for Information Biology, NIG *4 Grad. Sch. Bioscience and Biotechnology, TIT *5 Dept. Bacteriology,

1P-79

Systematic functional analysis of unknown genes encoded by the Stx2 phage of E. coli O157:H7 strain Sakai

○MD. Shakhinur Islam*1 Md. Rakibul Islam*2 Yoshitoshi Ogura*3 Tadasuke Ooka*4 Tetsuya Hayashi*3

*1 Div. Microbiology, Fac. Med., Univ. Miyazaki *2 Genetic Engn. Biotech. Dept., Shahjalal Univ. Sci. Tech. *3 Dept. Bacteriology, Fac. Med. Sci., Kyushu Univ. *4 Dept. Microbiology, Grad. Sch. Med. Dent. Sci., Kagoshima Univ.

1P-80

フケ症患者頭皮の網羅的菌叢解析

○酒井 真美*1 眞鍋 憲二*1 森本 拓也*1 遠藤 圭二*1 佐伯 勝久*1 坂口 大志*1 田口 浩之*1 大隅 信三*2 曾我 元*2 尾崎 克也*1 小椋 義俊*3 林 哲也*3

*1 花王株式会社 生物科学研究所 *2 花王株式会社 ヘアケア研究所 *3 九州大学 医学部 細菌学分野

1P-81

イネ白葉枯病菌タイプⅢ分泌タンパク質 XopK の機能解析

○鈴木 愛子*1 安西 弘行*2 古谷 綾子*2

*1 茨城大学大学院農学研究科 *2 茨城大学遺伝子実験施設

1P-82 (104-1)

Ⅲ型分泌 ATPase の構造と機能の相関による作用メカニズム考察

○加藤 淳也*1 Jorge Galan*1

*1 イェール大・細菌感染

1P-83

メタゲノム解析の歯科診療への応用

○谷口 誠*1

*1 谷口歯科医院

1P-84 (1St-35)

Streptococcus mutans のスクロース依存的な細胞外 DNA 放出メカニズムの解析

○井上 紗智*1 稲葉 知大*2 尾花 望*3 八幡 穰*4 泉福 英信*5 野村 暢彦*3

*1 筑波大 生命環境学群 *2 産総研 環境管理 *3 筑波大 生命環境系 *4 Dept. of Civil, Environmental and Geomatic Engineering, Institute for Environmental Engineering, ETH Zurich *5 感染研 細菌第一部

1P-85

日本で分離されたヨーネ菌の全ゲノムリシーケンスによる SNP 解析

○西森 敬*1 永田 礼子*1 川治 聡子*1 國保 健浩*1

*1 農研機構・動衛研

《細胞増殖と分化の分子機構》

2P-01 (2St-01)

腸内細菌のスフェロプラスト巨大化

○高橋 沙和子*1 加藤 遼弥*1 玉村 慎*1 西田 洋巳*1

*1 富県大・工・生物工

2P-02 (2St-02)

紅色光合成細菌のスフェロプラスト巨大化

高柳 綾奈*1 中澤 舞*1 ○西野 弘起*1 西田 洋巳*1

*1 富山県立大学工学部生物工学科

2P-03 (103-3)

バクテリアアクチンが制御する細胞極性

川面 拓真*1 小島 広樹*1 仁木 宏典*2 ○塩見 大輔*1

*1 立教大学 理学部 生命理学科 *2 国立遺伝学研究所 系統生物研究センター

2P-04 (103-4)

磁性細菌ゲノムに保存されたアクチン様細胞骨格蛋白質 MamK によるマグネトソーム配置調節

○田岡 東*1*2 清河 文子*3 上杉 知佳*3 福森 義宏*1

*1 金沢大・理工・自然システム *2 金沢大・理工・バイオ AFM *3 金沢大院・自然科学

2P-05 (103-6)

細菌の細胞の大きさはどのようにして制御されるか

○加藤 節*1 Manuel Campos*2*3 Ivan V. Surovtsev*2*3 Ahmad Paintdakhi*2*3 Bruno Beltran*1*2*3
Sarah E. Ebmeier*1*2 Christine Jacobs-Wagner*1*2*3*4

*1 Yale University, MCDB *2 Yale University, MSI *3 Yale University, HHMI *4 Yale University,
Microbial Pathogenesis

2P-06

高温条件下における枯草菌の細胞壁テイコ酸修飾と TagH の膜貫通領域の重要性

○宮下 万理*1 笠原 隼*1 山田 孟司*1 田中 達人*1 所 秀幸*1 山本 博規*1

*1 信大院 応生

2P-07

細胞壁溶解酵素の機能発現におけるシグナルペプチドの重要性

○近藤 拓真*1 荒 雄太*1 桐山 優香*1 岩波 智徳*1 山本 博規*1

*1 信大院・応生

2P-08 (103-2)

枯草菌(p)ppGpp 合成遺伝子欠損株を用いた栄養状態に応じた新規 GTP 制御機構の解析

○大坂 夏木*1 高田 啓*3 多喜乃 雄太*1 兼崎 友*2 渡辺 智*1 千葉櫻 拓*1 吉川 博文*1*2

*1 東農大・院・バイオ専攻 *2 東京農大・ゲノム解析セ *3 立教大学・理・生命理

2P-09 (103-1)

枯草菌におけるリボソームダイマーの形成と利用

○赤沼 元気*1 加増 祐加*1 前橋 真利江*1 田上 和美*1 矢野 晃一*1 鈴木 祥太*1 河村 富士夫*1

*1 立教大学理学部生命理学科

2P-10 (2St-03)

枯草菌 SPβ の Integration/Excision 機構および site-specific recombinase の機能解析

○高松 拓夫*1 安部 公博*2 佐藤 勉*1*2*3

*1 法政大院・理工 *2 法政大 マイクロ・ナノテク *3 法政大・生命・生命

2P-11

枯草菌孢子形成期における sigK 再構築に関する skr

○橋口 優一朗*1 平島 翔太*1 安部 公博*2 佐藤 勉*1*2

*1 法政大・生命科学・生命機能 *2 法政大・マイクロナノテクセンター

2P-12 (2St-04)

枯草菌孢子ポリサッカライド層の解析

○安部 公博*1 岩本 敬人*2 小林 優生*3 井之口 紫苑*3 佐藤 勉*1*2*3

*1 法政大学 マイクロ・ナノテクノロジー研究センター *2 法政大学 理工学研究科 *3 法政大学 生命科学部

2P-13 (2St-05)

セレウス菌の孢子形成期における gerE 遺伝子の再構築

○津田 嵩平*1 北村 朋美*2 安部 公博*3 佐藤 勉*1*2*3

*1 法政大院・理工 *2 法政大・生命・生命 *3 法政大・マイクロナノセンター

2P-14 (2St-06)

YqgF による 16S rRNA のプロセシングの生理的意義についての解析

○倉田 竜明*1 加藤 潤一*1

*1 首都大院・理工・生命

2P-15 (2St-07)

大腸菌ゲノム縮小株群を用いた酸化ストレス耐性に関する遺伝子群の解析

○岩館 佑未*1 船迫 紀之*1 加藤 潤一*1

*1 首都大学東京大学院 理工学研究科 生命科学専攻 分子遺伝学研究室

2P-16 (103-5)

核様体因子 IHF による複製開始制御ゲノム因子の統合制御

○片山 勉*1 加生 和寿*1 大島 拓*2

*1 九大院・薬・分子生物 *2 奈良先端大・バイオ

2P-17

枯草菌におけるラギング鎖複製"Hand-off"モデルの検証

○安藤 愛美*1 明石 基洋*1 宮田 真吾*2 兼崎 友*3 千葉櫻 拓*1 渡辺 智*1 吉川 博文*1

*1 東京農大・院・バイオ専攻 *2 東京農大・応生科・バイオ *3 東京農大・ゲノム解析セ

2P-18 (2St-08)

Synechococcus elongatus PCC 7942 におけるゲノムコピー数制御機構の解析

○辻出 亘寛*1 渡辺 智*1 橋本 千晴*1 大林 龍胆*1*3 兼崎 友*2 吉川 博文*1*3

*1 東農大・応生化・バイオ *2 東農大・生物資源ゲノム解析センター *3 JST・CREST

2P-19

Synechococcus elongatus PCC 7942 におけるマルチコピーゲノムの分布制御機構の解析

○内桶 香那*1 渡辺 智*1 野田 明日翔*1 中武 詩津花*1 森岡 さゆみ*1 湯本 真実*1

大林 龍胆*1*2 兼崎 友*3 千葉櫻 拓*1 吉川 博文*1*2

*1 東農大・応生科・バイオ *2 JTS・CREST *3 東農大・ゲノム解析センター

《真核微生物》

2P-20 (2St-09)

NBRP ゲノム情報等整備プログラムによる多様な真核微生物約 120 株のドラフトゲノム情報の公開

○遠藤 力也*1 眞鍋 理一郎*2 金城 幸宏*1*3 鈴 幸二*1 高島 昌子*1 大熊 盛也*1

*1 理研 BRC-JCM *2 理研 CLST-DGT *3 東工大院・生命理工

2P-21 (2St-10)

菌類ヌクレオソーム形成と DNA 塩基配列

山内 健太*1 ○居島 冴香*1 近藤 伸二*2 西田 洋巳*1

*1 富山県大・生物工 *2 極地研

2P-22 (102-8)

真菌の温度応答関連因子 Trj ファミリータンパク質の構造と機能

岡本 尚*1 ○仁木 宏典*1

*1 国立遺伝学研究所

《バイオインフォマティクス》

2P-23

データベースから選出されたカビアレルゲン候補遺伝子の Aspergillus 属内における配列比較とアレルゲン性の検討

○大波 純一*1 小林 直樹*2 渡辺 麻衣子*3 山田 修*4 水谷 治*4 高橋 徹*5 川上 裕司*6

橋本 一浩*6 清水 公德*7 高橋 治男*3 知花 博治*8 鎌田 洋一*9

*1 JST・NBDC *2 麻布大・生命環境 *3 国衛研・衛微 *4 酒類研・醸技応研 *5 (株)岐阜セラック製造所 *6 (株)エフシージー総合研究所 *7 東京理科大・基礎工 *8 千葉大・真医セ *9 岩手大・農

2P-24 (2St-11)

ゲノムマッピングによるダイズ根粒菌の種の判定と接種菌群の追跡

○金原 一真*1 板倉 学*2 鶴丸 博人*2 星野 裕子*3 秋山 博子*3 早津 雅仁*3 南澤 究*1

*1 東北大学 生命科学研究科 *2 京都産業大学 総合生命科学部 *3 鹿児島大学 農学部 *4 農業環境技術研究所

2P-25 (205-2)

微生物統合データベース MicrobeDB.jp の検索システムの高度化と新解析パイプライン

○森 宙史*1 藤澤 貴智*2 千葉 啓和*3 山本 希*4 内山 郁夫*3 菅原 秀明*2 中村 保一*2

黒川 顕*4 MicrobeDB.jp プロジェクトチーム*1*2*3*4

*1 東工大・生命理工・生命情報 *2 遺伝研 *3 基生研 *4 東工大・地球生命研

2P-26 (2St-12)

微生物統合データベースを高度化する微生物環境オントロジーと解析アプリケーションの開発

○鈴木 真也*1 山本 希*2 森 宙史*1 黒川 顕*2

*1 東工大・生命理工 *2 東工大・地球生命

2P-27

藻類比較ゲノムデータベース **Algaenome** の構築

○梅津 純平*1 森 宙史*1 堀 孝一*1 大林 武*2 太田 啓之*1 黒川 顕*3

*1 東工大・生命理工 *2 東北大・情報科学 *3 東工大・地球生命研

2P-28

疾病関連語句オントロジー、病原性遺伝子データベースの作成とゲノム、メタゲノムデータでの利用

○山本 希*1 鈴木 真也*2 森 宙史*2 黒川 顕*1

*1 東工大 ELSI *2 東工大院・生命理工

2P-29

ヒト腸内細菌の代謝反応データベース構築

○佃 直紀*1 山本 希*1 東 光一*1 入江 満*1 五斗 進*3 奥田 修二郎*4 守屋 勇樹*5 森 宙史*1
黒川 顕*2 山田 拓司*1

*1 東工大院・生命理工 *2 東工大・ELSI *3 京大・化研 *4 新潟大院・医歯学 *5 DBCLS

2P-30 (2O5-1)

ヒト腸内細菌オミックスデータを用いた超早期大腸がんマーカーの探索

○西本 悠一郎*1 水谷 紗弥佳*2 伊東 泰雄*3 谷内田 真一*4 山田 拓司*5

*1 東工大・生命情報 *2 東工大・生命情報 *3 東工大・生命情報 *4 がんセンター *5 東工大・生命情報

2P-31 (2O5-3)

ITS 配列解析による *P. acnes* 株群集構造解析

○渡邊 日佳流*1 森 宙史*1 黒川 顕*1*2 山田 拓司*1

*1 東工大・院・生命理工 *2 東工大・ELSI

2P-32 (2O5-4)

エボラ・インフルエンザウイルスの方向性のあるゲノム配列変化

和田 佳子*1*2 和田 健之介*1 岩崎 裕貴*1 金谷 重彦*2 ○池村 淑道*1

*1 長浜バイオ大学 *2 奈良先端大

2P-33 (2St-14)

乳酸菌に特化したゲノムアーカイブおよびアノテーションパイプラインの構築

○谷澤 靖洋*1*2 藤澤 貴智*2 神沼 英里*2 中村 保一*2 有田 正規*2*3

*1 東京大学大学院新領域創成科学研究科 *2 国立遺伝学研究所生命情報研究センター *3 理化学研究所環境資源科学研究センター

2P-34 (2St-15)

シアノバクテリアに特化した **CyanoBase** ゲノムアノテーションパイプラインの構築

○藤澤 貴智*1 広瀬 侑*2 兼崎 友*3 志村 遥平*4 谷澤 靖洋*1 山本 泰智*5 李 慶範*6
河地 正伸*4 中村 保一*1*6

*1 遺伝研・生命情報研究センター *2 豊橋技術科学大・環境・生命工学系 *3 東農大・生物資源ゲノム解析センター *4 環境研・生物・生態系環境研究センター *5 ライフサイエンス統合データベースセンター *6 遺伝研・DDBJセンター

2P-35 (2O5-5)

次世代シーケンサーを使った病原菌タイピングツール

○宮本 真理*1 齋藤 賢治*1

*1 株式会社キアゲン

2P-36

次世代シーケンサーを用いた菌株間 SNP 検出における問題点と検出プロトコルの構築

○吉村 大*1 後藤 恭宏*2 小椋 義俊*2 林 哲也*2 伊藤 武彦*1

*1 東工大院・生命理工 *2 九大院・医・細菌

2P-37 (2O5-6)

低コスト・高精度なバクテリアゲノム配列構築手法の開発

○梶谷 嶺*1 小椋 義俊*2 林 哲也*2 伊藤 武彦*1

*1 東京工業大学 *2 九州大学

2P-38

真核微生物ゲノムに対する階層的 *ab initio* 遺伝子予測手法開発

○森本 博也*1 伊藤 武彦*1

*1 東工大・生命情報

2P-39

SeqView: DNA 配列/アミノ酸配列の表示ツール

○大坪 嘉行*1 永田 裕二*1 津田 雅孝*1

*1 東北大院生命

2P-40

ゲノム構造変化を感度よく検出する方法: InDel Hunter

○上坂 一馬*1*4 河野 央*3 寺内 一姫*3 藤田 祐一*1 井原 邦夫*2*4 小俣 達男*1*4

*1 名古屋大学大学院生命農学研究科 *2 名古屋大学・遺伝子実験施設 *3 立命館大学・生命科学部 *4 JST-CREST

2P-41

MAPLE 2.1 による生理・代謝機能ポテンシャルの比較メタゲノム解析

○荒井 渉*1 谷口 丈晃*2 竹本 和弘*4 五斗 進*3 守谷 勇樹*3 高見 英人*1

*1 JAMSTEC *2 三菱総研 *3 京大化研 *4 九工大

2P-42 (2St-16)

CLC Microbial Genomics Module を用いた鶏の腸内細菌メタゲノム解析

○齋藤 賢治*1 宮本 真理*1

*1 株式会社キアゲン

2P-43

大規模オミックスデータの可視化・解析ツール「FuncTree」の開発

○山手 雄太*1 森 宙史*1 黒川 顕*2 山田 拓司*1

*1 東工大・生命理工 *2 東工大・地球生命研究所

2P-44

メタゲノム配列群からの自動クラスタ抽出法の開発

○石田 恭平*1 阿部 貴志*1 池村 淑道*2

*1 新潟大学大学院自然科学研究科 *2 長浜バイオ大学

2P-45

微生物群集動態の原理解明に向けた再現モデルの構築

○渡来 直生*1 森 宙史*1 加藤 広海*2 大坪 嘉行*2 小椋 義俊*3 永田 裕二*2 豊田 敦*4
藤山 秋佐夫*4 林 哲也*3 津田 雅孝*2 黒川 顕*5

*1 東工大・生命理工・生命情報 *2 東北大・生命科学 *3 九州大・医 *4 遺伝研 *5 東工大・地球生命研

《環境微生物》

2P-46 (2St-17)

シロアリ腸内ファージメタゲノム解析と腸内細菌 CRISPR スペーサー配列との照合

○麥島 雄太*1 伊澤 和輝*1 河合 幹彦*1 桑原 宏和*1 雪 真弘*2 大熊 盛也*3 本郷 裕一*1*3

*1 東工大・院生命理工 *2 理研 CSRS・BMEP *3 理研 BRC・JCM

2P-47

サンゴ共生細菌ゲノムに見出された特徴的遺伝子群

○大久保 悠介*1 伊藤 通浩*2 丸山 徹*1 新里 宙也*3 五斗 進*4 中野 義勝*5 竹山 春子*1*2

*1 早大院・先進理工 *2 早大・ナノ・ライフ *3 OIST・マリングノミックユニット *4 京大・化研 *5 琉大・熱生研

2P-48

汚染土壌細菌叢の新規環境への定着及び再汚染のメタゲノム解析

○加藤 広海*1 森 宙史*2 渡来 直生*2 永山 浩史*1*3 大坪 嘉行*1 永田 裕二*1 豊田 敦*4
黒川 顕*2 津田 雅孝*1

*1 東北大院生命 *2 東工大院生命理工 *3 東北大院環境 *4 国立遺伝研

2P-49 (2St-18)

植物共生細菌 *Methylobacterium* 属内のメタゲノム解析

○南 智之*1 按田 瑞恵*1 池田 成志*1 菅原 雅之*1 金子 貴一*3 佐藤 修正*1 田畑 哲之*2
三井 久幸*1 南澤 究*1

*1 東北大院・生命科学 *2 かずさ DNA 研究所 *3 京産大・総合生命科学

2P-50

河川細菌群集構造変化の普遍的ダイナミクス

○黒澤 晋*1 黒川 顕*2 中島 信孝*1 山田 拓司*1 森 宙史*1 東 光一*1 鈴木 真也*1
多摩川プロジェクト *3

*1 東工大院生命理工 *2 東工大 ELSI *3 東工大

2P-51 (104-3)

比較メタゲノム解析による日本人腸内細菌叢の特徴解明

○西嶋 傑*1 須田 互*1*2 大島 健志朗*1 金 錫元*3 広瀬 侑*4 飯岡 絵里香*1 進藤 智絵*1
山下 直子*1 黒川 李奈*1 森田 英利*5 服部正平*1*6

*1 東大院・新領域 *2 慶應大・医 *3 理研・IMS *4 豊橋技大・工 *5 岡山大・環境 *6 早大・理工

2P-52 (2St-19)

川崎工科高等学校の土壌に潜む微生物種の解析

○赤嶺 佑佳*1 木村 達哉*1 中村 祐哉*2 森 宙史*2 黒川 顕*2*3 中島 信孝*2

*1 神奈川県立川崎工科高等学校 *2 東工大院・生命理工・生命情報 *3 東工大・地球生命研

2P-53 (104-4)

長野県白馬地域の蛇紋岩熱水系における微生物生態系の解明

○西山 依里*1 森 宙史*1 黒澤 晋*1 東 光一*1 須田 好*1 丸山 史人*2 上野 雄一郎*1

大森 聡一*3 丸山 茂徳*1 豊田 敦*4 太田 啓之*1 藤山 秋佐夫*4 本郷 裕一*1 黒川 顕*1

*1 東工大 *2 京大 *3 放送大 *4 遺伝研

2P-54 (104-5)

Synthetic spike-in controls for 16S-Seq based microbiome profiling

○Dieter Tourlousse*1 Akiko Ohashi*1 Satowa Yoshiike*1 Satoko Matsukura*1 Norihisa Matsuura*1 Naohiro Noda*1 Yuji Sekiguchi*1

*1 National Institute of Advanced Industrial Science and Technology (AIST), Biomedical Research Institute, Tsukuba, Ibaraki 305-8566, Japan

2P-55

環境常在細菌が有する推定アルコールデヒドロゲナーゼ遺伝子関与の新規極貧栄養環境適応機構

○稲葉 慎之介*1 平野 丈*1 宇井 博紀*1 大坪 嘉行*1 永田 裕二*1 津田 雅孝*1

*1 東北大学・大学院生命科学研究所 (院生命科)

2P-56

嫌気環境下で見出される未培養門細菌のゲノム再構成と機能解明

○関口 勇地*1 大橋 明子*1 Philip Hugenholtz*2

*1 産総研バイオメディカル研究部門 *2 The University of Queensland

2P-57 (104-6)

国内初の新規ミミウイルス科・マルセイユウイルス科「巨大ウイルス」についての報告

○武村 政春*1*2 室野 晋吾*2

*1 東京理科大学・理学部第一部・教養学科 *2 東京理科大学・院・科学教育

2P-58 (2St-20)

汽水湖から単離された孔径 0.22 μm のフィルターを通過可能な新属・新種細菌候補株のゲノム解析

○久志本 晃弥*1 村口 雄亮*2 佐藤 安里紗*2 福田 洗平*3 大坪 嘉行*4 鈴木 智大*5 道羅 英夫*5 金原 和秀*1*2*3 新谷 政己*1*2*3

*1 静大院 *2 静大工 *3 静大創造院 *4 東北大生命科学 *5 静大グリーン研

2P-59

シチヨウシンカイヒバリガイ共生細菌における、エネルギー獲得機能の多様化したゲノム

○高木 善弘*1 生田 哲朗*1 長井 裕季子*1 島村 繁*1 津田 美和子*1 川口 慎介*1 青木 結*1

井上 広滋*2 照屋 盛実*3 佐藤 万仁*4 照屋 邦子*4 下地 真紀子*4 保 日奈子*4 平野 隆*4

丸山 正*1 吉田 尊雄*1

*1 海洋研究開発機構 *2 東京大学 *3 沖縄県工業技術センター *4 沖縄総合科学研究所

2P-60 (104-7)

リサイクル活動による大腸菌細胞集団の飢餓耐性のモデル化

○高野 壮太郎*1 Bogna J. Pawlowska*2 Ivana Gudelj *2 津留 三良*1

*1 大阪大学 情報科学研究科 *2 University of Exeter, Biosciences

2P-61 (104-2)

サンゴと共生藻の相互作用をトランスクリプトームから読み解く

○丸山 徹*1 伊藤 通浩*2 若王子 智史*1 新里 宙也*3 藤村 弘行*4 中野 義勝*5 須田 彰一郎*4
竹山 春子*1*2

*1 早大院・生命医科 *2 早大・ナノ理工 *3 OIST・マリンゲノミクス *4 琉大・理 *5 琉大・熱帯生物圏研究センター

2P-62 (2St-22)

LysR 型転写調節因子ネットワーク解明のための 3-クロロ安息香酸分解細菌 *Cupriavidus necator* NH9 株のドラフトゲノム解析

○森内 良太*1*2 道羅 英夫*1 小川 直人*2*3

*1 静大・グリーン研 *2 岐阜大・院連合農 *3 静大・院農

2P-63

プロテオーム解析を用いた *Pseudomonas putida* F1 株の土壌特異的発現遺伝子の同定と特性解析

森本 一*1 門屋 亨介*1 高橋 一弘*1 ○笠原 康裕*1

*1 北海道大学低温科学研究所

2P-64 (2St-23)

ナフタレン分解プラスミド NAH7 の接合伝達関連機能未知遺伝子群 *traDEF* の解析

○岸田 康平*1 井上 慧*1 大坪 嘉行*1 永田 裕二*1 津田 雅孝*1

*1 東北大学・生命科学研究科

2P-65 (2St-24)

遺伝学的解析を用いた芳香族化合物分解コンソーシアムにおける分解菌と非分解菌の共在機構の解明

○小川 なつみ*1 加藤 広海*1 大坪 嘉行*1 永田 裕二*1 津田 雅孝*1

*1 東北大院・生命科学

《方法論》

2P-66

ゲノム複製サイクルの *in vitro* 再構成による長鎖環状 DNA 増幅法

○末次 正幸*1*2 辻本 寛子*1

*1 立教・理・生命理 *2 JST さきがけ

2P-67

イルミナ用ライブラリー調整キット *Nextera* により生じるシーケンスバイアスの解析

○小椋 義俊*1 西田 留梨子*1 久恒 順三*1 伊藤 武彦*2 菅井 基行*1 林 哲也*1

*1 九州大学大学院医学研究院細菌学分野 *2 広島大学大学院医歯薬保健学研究院細菌学研究室 *3 東京工業大学大学院生命理工学研究科生命情報専攻

2P-68 (205-7)

宿主病徴に依存しない網羅的 RNA ウイルスゲノム決定手法の確立

○浦山 俊一*1 吉田 (高島) ゆかり*2 高木 善弘*1*2 高井 研*2 布浦 拓郎*1

*1 JAMSTEC 海洋生命理工学研究開発センター *2 JAMSTEC 深海・地殻内生物圏研究分野表

2P-69

次世代シーケンサーを用いた qTnSeq 法の構築

○阿部 史歩*1 大坪 嘉行*1 永田 裕二*1 津田 雅孝*1

*1 東北大院・生命

2P-70

根粒菌ゲノムのマーカーレス改変のための新規ツールセットの開発とその利用

○大澤 美芙*1 窪田 和奈*1 佐伯 和彦*1

*1 奈良女子大学大学院

2P-71

微小液滴を用いた単一微生物からの低バイアス全ゲノム増幅法の開発

○西川 洋平*1 細川 正人*1*2 竹山 春子*1*2

*1 早大院・先進理工・生医 *2 早大・ナノライフ創研

2P-72

接合伝達を用いた枯草菌への遺伝子導入法の最適化

○横井 崇紘*1 板谷 光泰*1 森 浩禎*2 片岡 正和*1

*1 信州大学 *2 慶応義塾大学 先端生命研究所 *3 奈良先端科学技術大学院大学

《その他》

2P-73 (2St-25)

放線菌プラスミド pSN22 の接合伝達における必須タンパク質 TraB の膜局在及び ATPase 活性に関する解析

○矢野 嵩紘*1 宮武 徹*1 片岡 正和*1

*1 信州大院・理工・環境機能工

2P-74

肝細胞癌患者便のメタゲノム解析

○飯田 宗穂*1 金子 周一*1

*1 金沢大学・革新医

2P-75 (2St-26)

数理モデルアプローチによる大腸菌の亜鉛制御機構の解明

○高橋 弘喜*1*2 大島 拓*3 Jon Hobman*4 Neil Doherty*4 Selina Clayton*4 Mudassar Iqbal*4
Philip Hill*4 戸邊 亨*5 小笠原 直毅*3 金谷 重彦*6 Dov Stekel*4

*1 千葉大学真菌医学研究センター *2 千葉大学分子キラリティー研究センター *3 奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科 *4 School of Biosciences, The University of Nottingham *5 大阪大学医学部医学系研究科 *6 奈良先端科学技術大学院大学情報科学研究科

2P-76 (2St-27)

Epigenetic regulation in Helicobacter Pylori by Type II DNA methyltransferases

○Zobaidul Alam*1 Hirokazu Yano*1*2 Yutaka Suzuki*1 Sumio Sugano*1*2 Ichizo Kobayashi*1*2

*1 Grad. Sch. Front. Sci., Univ. Tokyo. *2 Inst. Med. Sci., Univ. Tokyo

2P-77 (103-8)

塩基切り出し型制限酵素とそのピロリ菌内進化

○福世 真樹*1*2*3 中野 敏彰*4 小島 健司*1 Yingbiao Zhang*1 古田 芳一*1 石川 健*1
松井(渡部) 美紀*1 矢野 大和*1 濱川 剛士*4 井出 博*4 小林 一三*1

*1 東大院・新領域 *2 総研大・先端科学 *3 千葉大院・医 *4 広大院・理

2P-78

大腸菌クローン集団が示す抗生物質に対する不均一な応答

○梅谷 実樹*1*2 若本 祐一*1*3 古澤 力*2

*1 東大院・総合文化 *2 理研・QBiC *3 東大・複雑系センター

2P-79

大腸菌のアミノ酸代謝切替における Vitamin B6 の役割

○杉本 良太*1 島田 友裕*1 田中 寛*1

*1 東工大・資源研

2P-80

分泌型 endo- α -N-actylgalactosaminidase を生産する微生物の解析

○山内 健太郎*1 加藤 雄己*1 日下 大士*1 中松 亘*1 川崎 寿*1 鯉坂 勝美*2 夏目 亮*1

*1 東電大院・工・物質工 *2 新薬大・応生科

2P-81 (103-7)

大腸菌の酸化ストレス耐性に関与する *ibs-sib Toxin-Antitoxin* システムの解析

○富永 賢人*1 橋本 昌征*1 萩原 進*1 高木 光*1 加藤 潤一*1

*1 首都大院・理工・生命

2P-82 (2St-28)

c-di-GMP を介したシアノバクテリオクロム型光受容体による協調的な細胞凝集の制御

○榎本 元*1 成川 礼*2 池内 昌彦*1

*1 東大院・総合文化 *2 静岡大・理

2P-83 (2St-29)

MGLcDAG による大腸菌主要膜脂質欠損の相補検討

○上野 通宗*1 松本 幸次*1 松岡 聡*1 原 弘志*1

*1 埼玉大学大学院理工学研究科

2P-84 (2St-30)

日本高山のマメ科植物共生根粒菌の系統と宿主特異性

○瀬尾 直登*1 高梨 功次郎*2 矢崎 一史*1

*1 京都大学 生存圏研究所 *2 信州大学 山岳科学研究所

2P-85

シアノバクテリアの細胞外セルロース合成関連の新規遺伝子の同定

○前田 海成*1 奥田 裕紀子*1 成川 礼*2 緑川 貴文*1 池内 昌彦*1

*1 東大・院・総合文化・生命 *2 静岡大・理学・生物

2P-86 (2St-31)

大腸菌の染色体大規模欠失株を用いた合成致死遺伝子群の解析から同定された DNA 修復に関与する新規機能未知遺伝子の解析

○渡邊 圭佑*1 富永 賢人*1 北村 麻衣子*1 加藤 潤一*1

*1 首都大・生命科