

# 第1回 日本ゲノム微生物学会年会 プログラム

---- 3月1日(木) ----

11:30-12:30 日本ゲノム微生物学会 第1回評議員会

13:30-14:30 日本ゲノム微生物学会 第1回総会

## 特別講演

14:50-15:20	S-1	吉川 寛	大阪大学・奈良先端大学院 名誉教授	何故今ゲノム微生物学会かー課題と役割
15:20-15:50	S-2	穴澤 秀治	協和発酵科学技術戦略室	ゲノム時代の発酵生産菌育種戦略 —Minimum Genome Factory (MGF)コンセプトー
15:50-16:20	S-3	松原 謙一	DNAチップ研究所	原核と真核の境界

## 新規ゲノム配列の決定

16:40-17:00	O-1	大西 康夫	東大院・農学生命科学	放線菌 <i>Streptomyces griseus</i> の全ゲノム解読
17:00-17:20	O-2	永田 裕二	東北大院・生命	環境を汚染する有機塩素系殺虫剤 gamma-hexachlorocyclohexane 分解細菌 <i>Sphingobium japonicum</i> UT26S 株のゲノム解析
17:20-17:40	O-3	市川 夏子	製品評価技術基盤機構	新門菌 <i>Gemmatimonas aurantiaca</i> T-27 のゲノム解析
17:40-18:00	O-4	本郷 裕一	理研・環境分子	シロアリに共生する難培養性腸内細菌の全ゲノム配列の決定と解析
18:00-18:20	O-5	南澤 究	東北大院・生命	野生イネ、栽培イネに内生する細菌エンドファイトのゲノム解析
18:20-18:40	O-6	深津 武馬	産総研・生物機能工学	マルカメムシ必須共生細菌の全ゲノム解析:細胞外共生における縮小ゲノム進化
18:40-19:00	O-7	二河 成男	放送大・自然の理解	宿主昆虫核ゲノムに水平転移した共生細菌 <i>Wolbachia</i> ゲノム断片の構造と機能

19:15-20:45 日本ゲノム微生物学会設立記念祝賀会

---- 3月2日(金) ----

## 細菌ゲノムの機能解析(1)

9:00-9:20	O-8	成川 礼	東大院・総合文化	シアノバクテリアにおける新規光受容体の網羅的探索
9:20-9:40	O-9	田口 善弘	中央大・理工	発光蛋白質法によるシアノバクテリア概日周期遺伝子発現プロファイルの非計量多次元尺度構成法による解析
9:40-10:00	O-10	佐伯 和彦	奈良女子大・理	Type IIIおよびType IV分泌系獲得によるミヤコグサ根粒菌の共生能の変動
10:00-10:20	O-11	野尻 秀昭	東大・生物生産工学研究セ	IncP-7群プラスミドpCAR1の機能発現を制御する宿主染色体との相互作用
10:20-10:40	O-12	吉田 和哉	奈良先端大学院・バイオサイ エンス	好塩性細菌 <i>Halomonas elongata</i> のゲノム解析

## 細菌ゲノムの機能解析(2)

11:00-11:20	O-13	奥 裕介	東大院・薬	黄色ブドウ球菌のリポタイコ酸合成酵素の同定
11:20-11:40	O-14	松岡 浩史	福山大学・工	枯草菌脂肪酸分解系の転写制御ネットワークの解明
11:40-12:00	O-15	飯田 充一	埼玉大院・理工	<i>Bacillus</i> 属細菌のECFシグマ因子制御系の比較解析
12:00-12:20	O-16	SIERRO, Nicolas	東大・医科研	Conservation of regulation systems in firmicutes
12:20-12:40	O-17	板谷 光泰	慶應大・先端生命研	枯草菌ゲノムベクターに立脚するゲノムデザイン学の現状と近未来

## 特別講演

13:40-14:10	S-4	別府 輝彦	日本大学総合科学研究科	新しい一般微生物学の構築に向けて
14:10-14:40	S-5	宮田 満	日経BP社バイオセンター	第二のバイオ技術突破が生命科学・バイオ産業をどう変えるのか？

## 細菌ゲノムと細胞の動態

15:00-15:20	O-18	Asadulghani	宮崎大・フロンティア科学総合研究セ	Phage Induction and Inter-prophage Interaction in the Prophage Pool of an Enterohemorrhagic <i>Escherichia coli</i> O157:H7 Genome
15:20-15:40	O-19	戸邊 亨	阪大院・医学	病原性大腸菌における外来性因子による遺伝子発現制御
15:40-16:00	O-20	寺本 潤	法政大院・生命機能	大腸菌単一細胞のプロモーター強度の測定
16:00-16:20	O-21	大島 拓	奈良先端大学院・情報科学	枯草菌RNAポリメラーゼのゲノム上での分布
16:20-16:40	O-22	和地 正明	東工大院・生命理工	阻害剤を使った細菌の有糸分裂装置の解析
16:40-17:00	O-23	平賀 壯太	京大院・医学	蛋白-蛋白相互作用のネットワーク:POCシステムの発見
17:15-18:45		<b>ポスター発表</b>		
18:45-20:45		<b>ミキサー</b>		

## ---- 3月3日(土) ----

## 真核微生物のゲノム研究

9:00-9:20	O-24	中村 太郎	大阪市大院・理	分裂酵母 <i>S. pombe</i> の完全長cDNAライブラリーの大規模解析
9:20-9:40	O-25	寺本 寛	九大院・生資環	白色腐朽菌 <i>Phanerochaete chrysosporium</i> の窒素濃度に依存したタンパク質発現ダイナミクスの解析
9:40-10:00	O-26	知花 博治	千葉大・真菌医学研究セ	病原真菌フェノームプロジェクト 第1章 - <i>Candida glabrata</i> を用いた抗真菌ゲノム創薬-
10:00-10:20	O-27	桑山 秀一	筑波大院・生命環境	細胞性粘菌 <i>Dictyostelium discoideum</i> 発生過程におけるストレス応答キナーゼ <i>krsA</i> によるcAMP合成調節
10:20-10:40	O-28	太田 にじ	埼玉大院・理工学	色素体ゲノムの比較と核ゲノムへの遺伝子移行
10:40-11:00	O-29	田中 寛	東大・分生研	真核細胞の構築を細胞共生から考える

## メタゲノム研究

11:20-11:40	O-30	高見 英人	海洋研究開発機構・極限環境	菱刈金山地下熱水環境のメタゲノミクス
11:40-12:00	O-31	三木 健良	福岡歯科大	新しいメタゲノム解析法の開発
12:00-12:20	O-32	阿部 貴志	国立遺伝研	自己組織化地図法(Self-Organizing Map: SOM)による環境微生物ゲノム由来断片配列解析
12:20-12:40	O-33	服部 正平	東大院・新領域	ヒト腸内細菌叢のメタゲノム解析